

H28年度 衛生微生物技術協議会 ノロウイルスレファレンス委員会報告

ノロウイルスレファレンス委員会
世話人
国立感染症研究所感染症疫学センター
木村 博一

内 容

1. NoV検査外部精度管理結果について
(H26-27年厚生労働科学研究・佐多班)
2. NoV GIキャプシド遺伝子の分子進化について
3. 過去3シーズンのNoV遺伝子型の推移について
(GII.P17-GII.17の出現と流行)

H26・27年度ウイルス検査精度管理に関する研究内容

H26年度:

・リアルタイムPCR法によるNoV遺伝子定量

- 1) 精度管理実施要領
- 2) 精度管理実施手順
- 3) 標準検査法
- 4) 精度管理データ記入ファイル

・各地研におけるウイルス検査の精度管理の実態把握

- 1) 精度管理アンケート

H27年度

・シーケンス・系統樹解析精度管理

・NoVPCR産物(300bps程度)

- 1) 材料の塩基配列解析(シーケンス解析)
- 2) 近隣結合法(NJ法)による系統樹解析

調査項目:

- 1) 塩基配列解析の精密度
- 2) 塩基配列解析長
- 3) 解析試料の系統樹上の位置
- 4) 標準株との塩基配列同一性

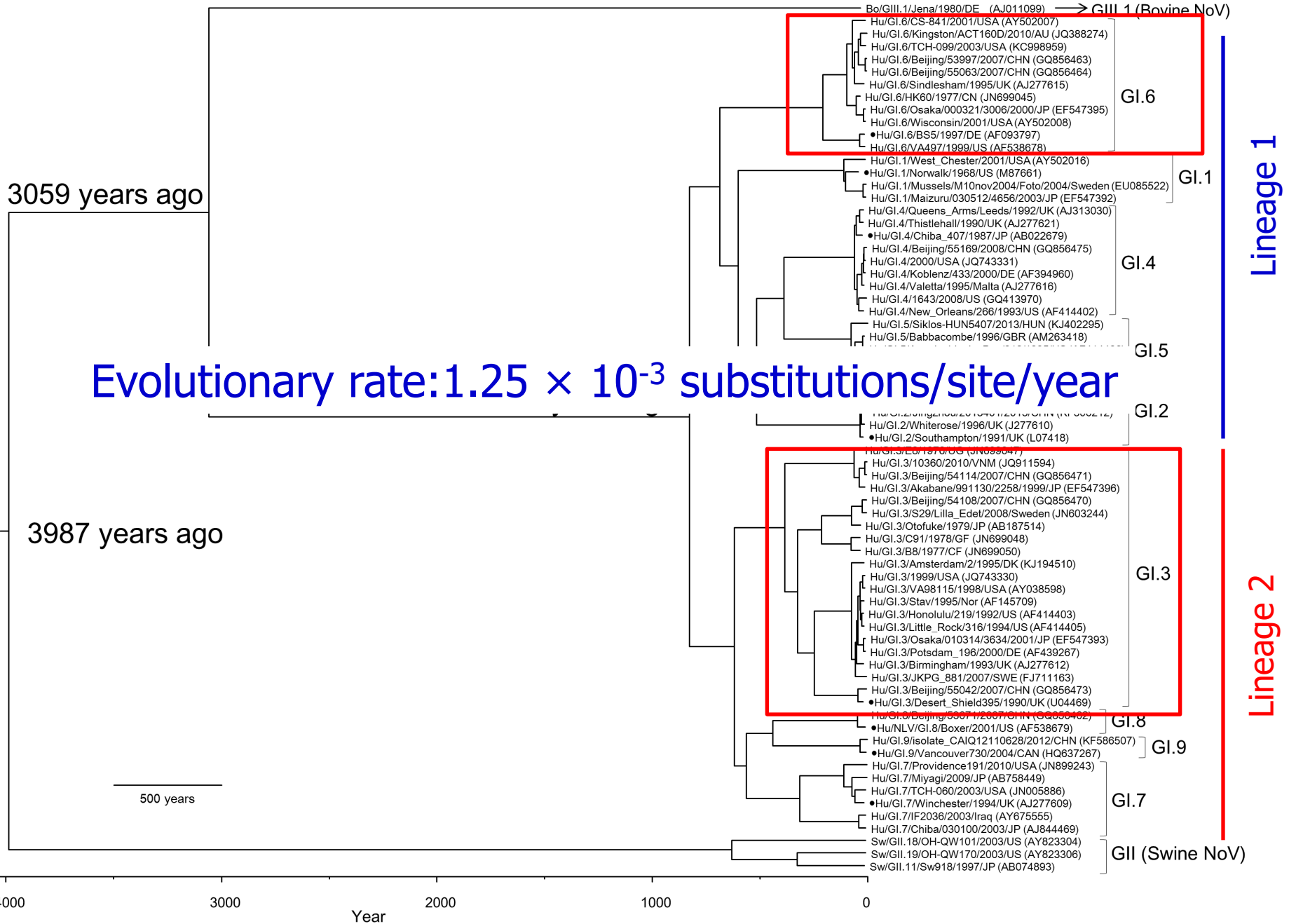
・H26年度のフォローアップ研修



今後、同じ手法論による実習を短期研修ウイルス研修で実施予定

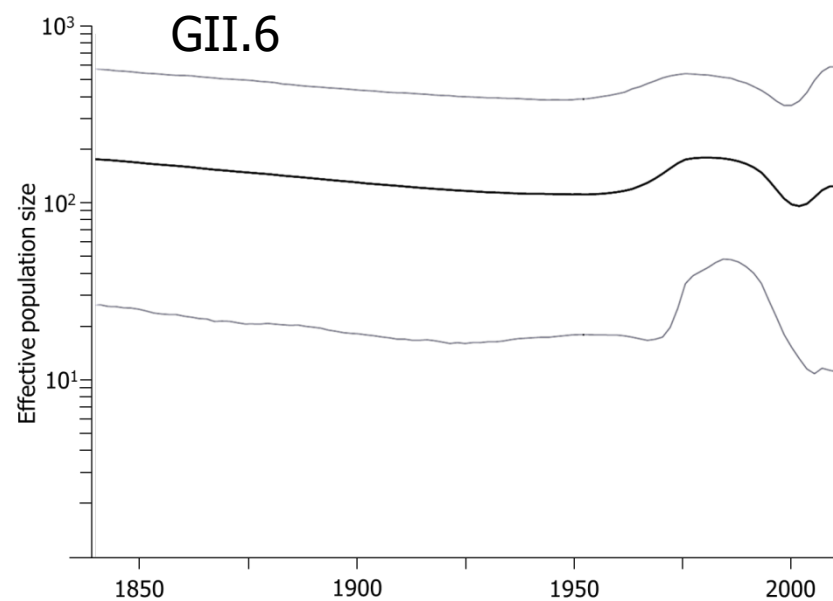
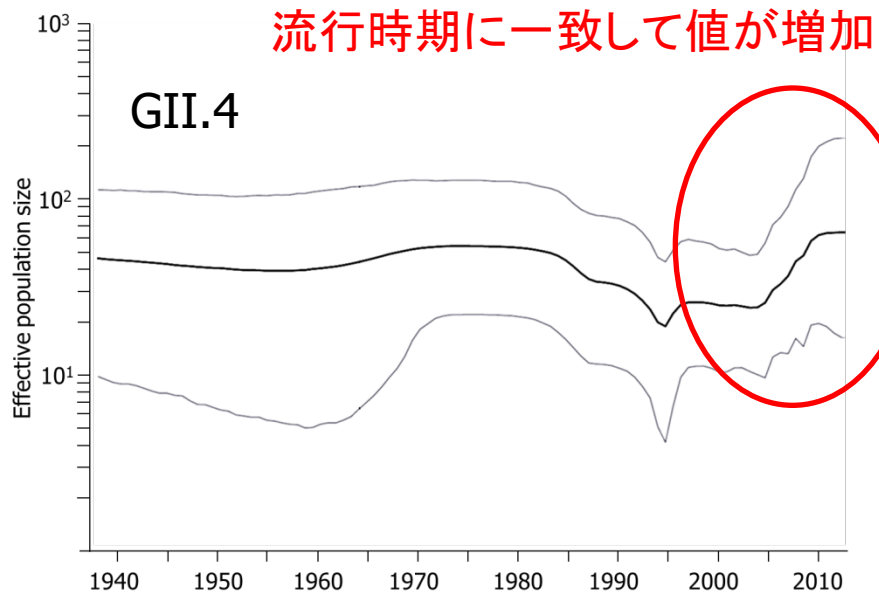
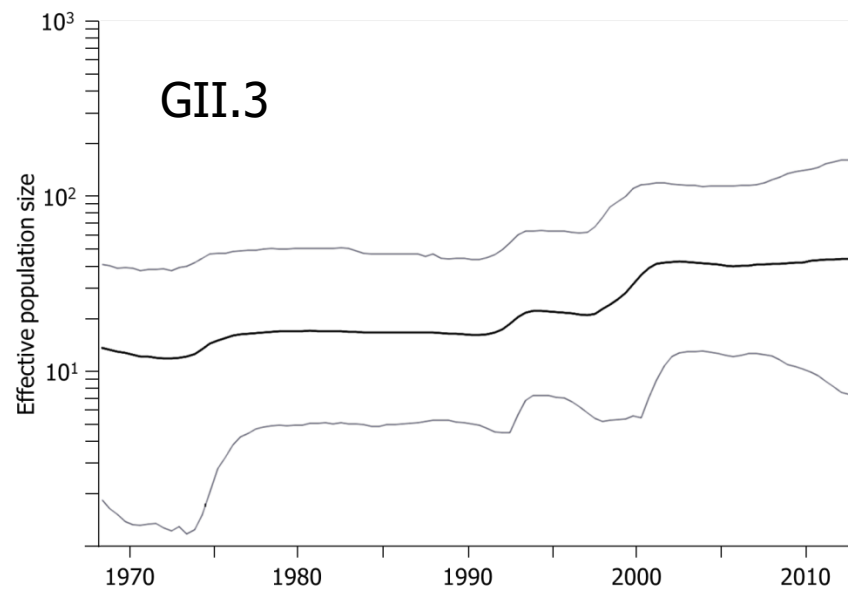
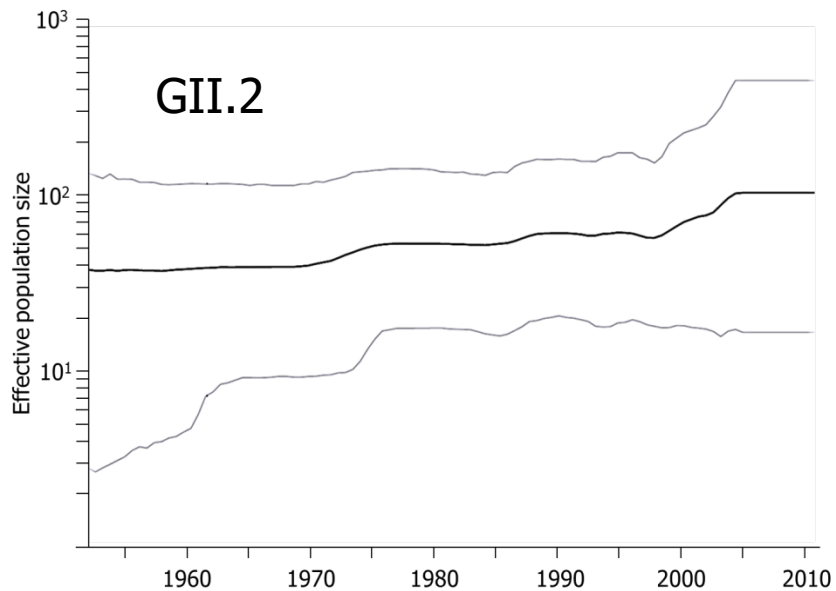
NoV GIキャプシド遺伝子の分子進化

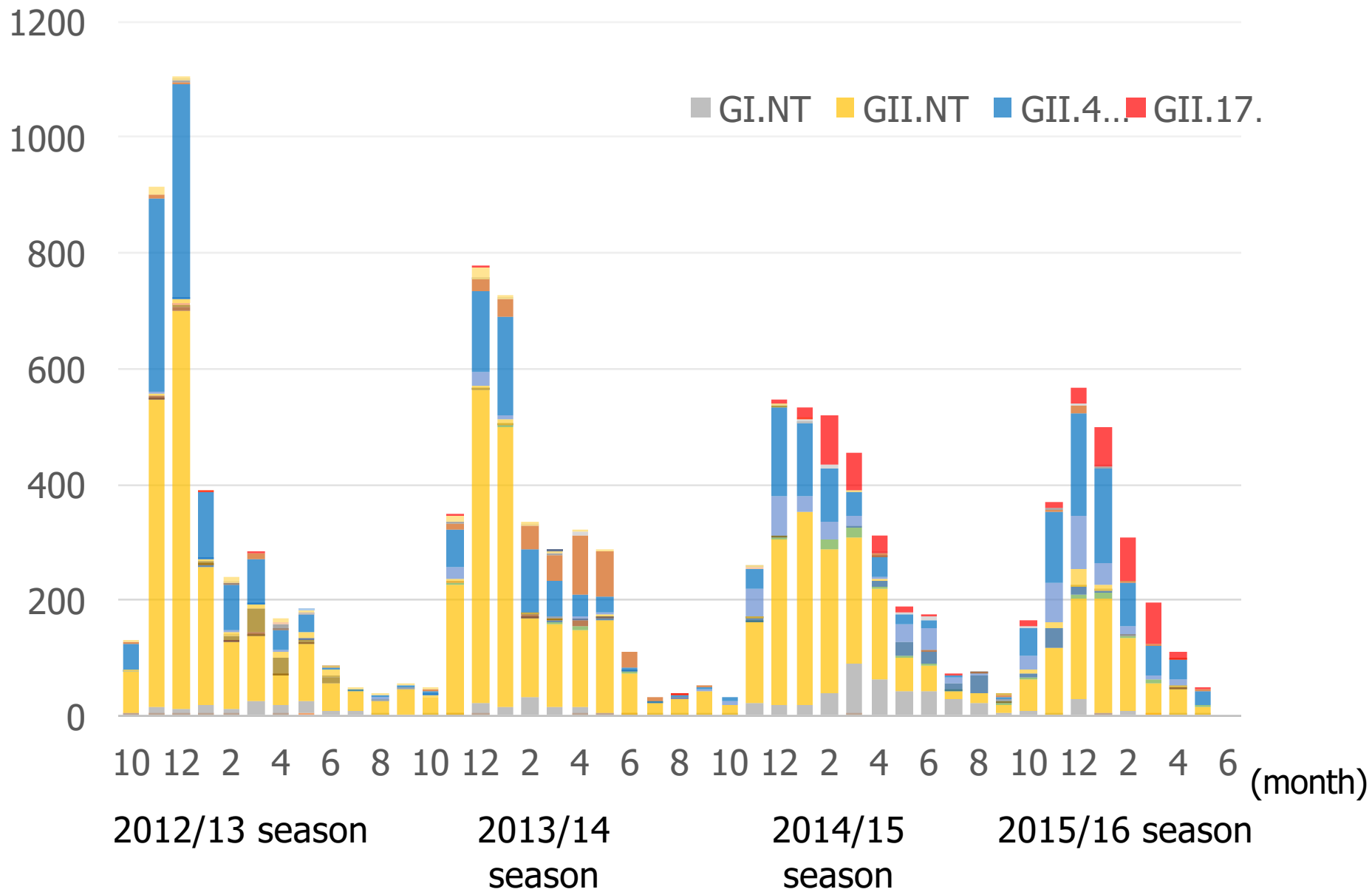
Phylogenetic tree of ORF2 constructed by Bayesian Markov Chain Monte Carlo (MCMC) method



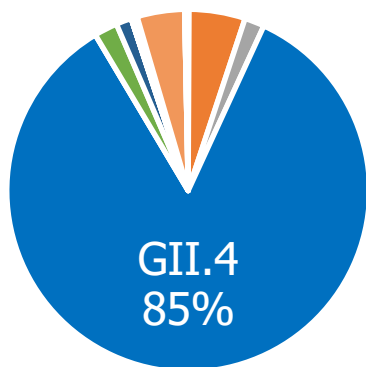
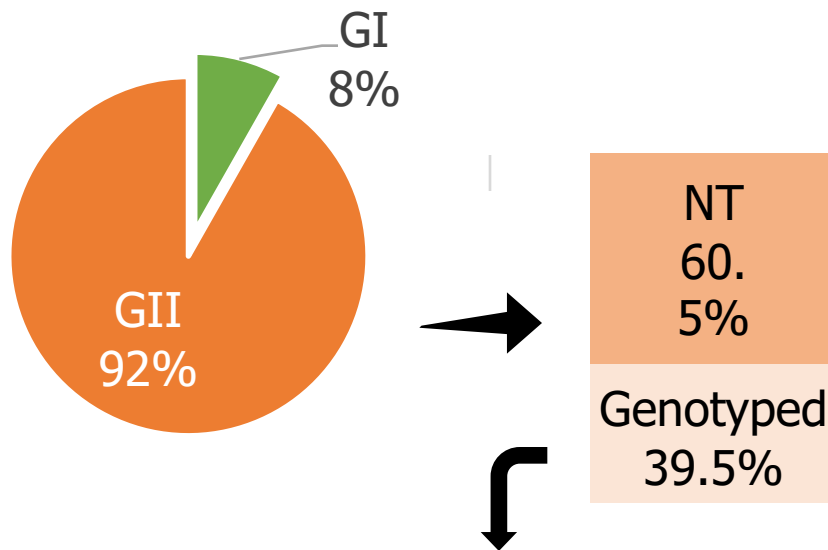
新しいNoV流行予測の方法について Bayesian Skyline Plotの応用

BSP of major genotypes

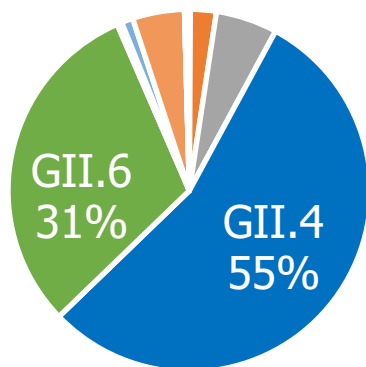




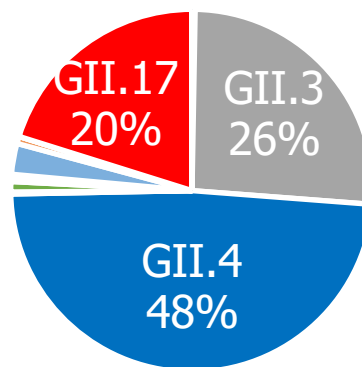
本邦において過去4シーズンに検出されたNoVの遺伝子型



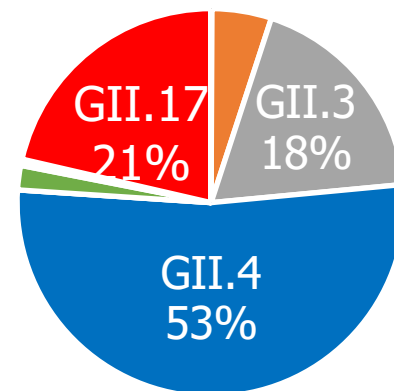
2012/13 season



2013/14 season



2014/15 season



2015/16 season

今後のGII.17の検出動向に注意が必要