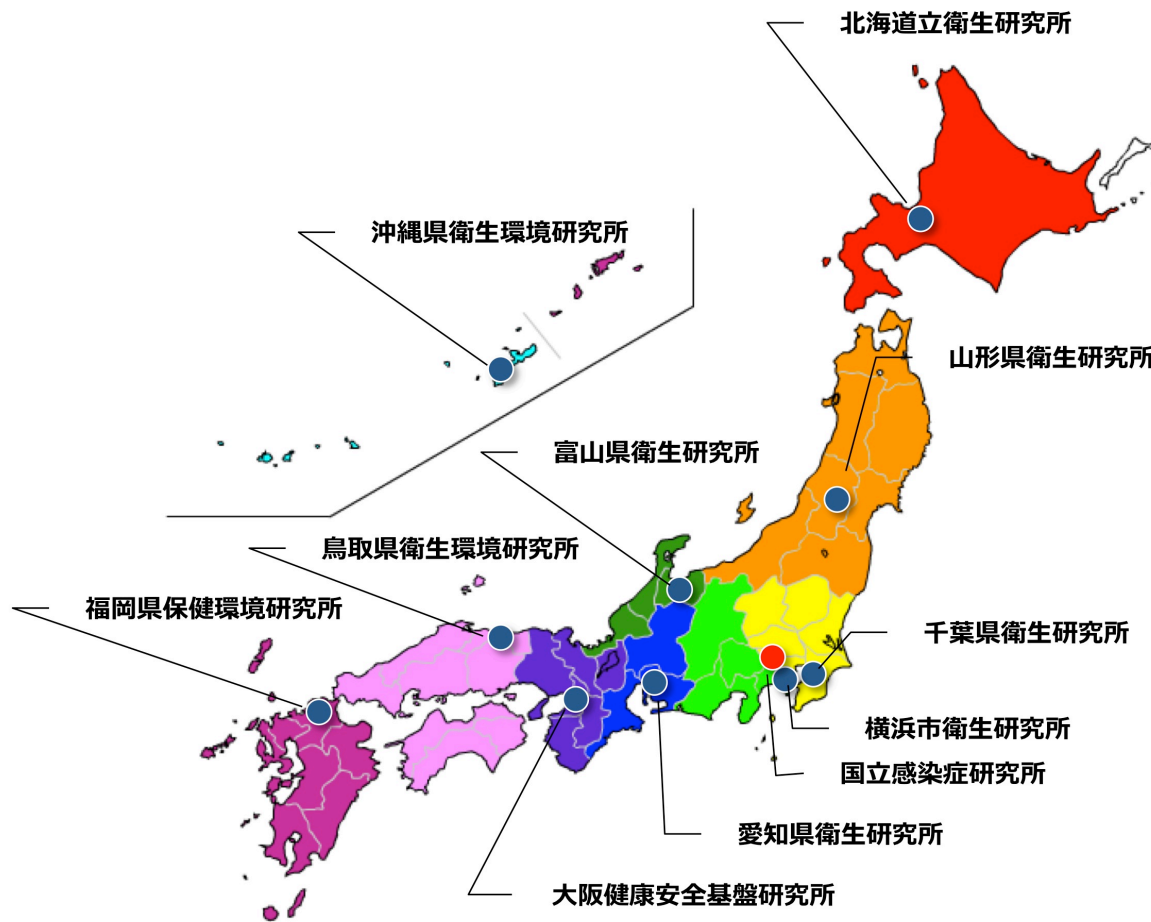


2017.6.27-28
衛生微生物技術協議会第34回研究会
東京・タワーホール船堀



麻疹・風疹レファレンスセンター会議報告

国立感染症研究所 ウイルス第三部
森 嘉生

平成29年度麻疹・風疹レファレンスセンター

ブロック	施設	担当者
世話人	国立感染症研究所	森嘉生・關文緒*
北海道	北海道立衛生研究所	長野秀樹・三好正浩
東北・新潟	山形県衛生研究所	池田辰也
北関東・千葉・東京	千葉県衛生研究所	小川知子・西嶋陽奈
神奈川・甲・信・静岡	横浜市衛生研究所	七種美和子
東海	愛知県衛生研究所	安井善宏・皆川洋子
北陸	富山県衛生研究所	板持雅恵*
近畿	大阪健康安全基盤研究所	倉田貴子
中国・四国	鳥取県衛生環境研究所	大友麗*
九州	福岡県保健環境研究所	梶原淳睦
沖縄	沖縄県衛生環境研究所	加藤峰史

麻しんに関する特定感染症予防指針

(厚生労働省告示第442号、平成19年12月、平成24年12月一部改正)

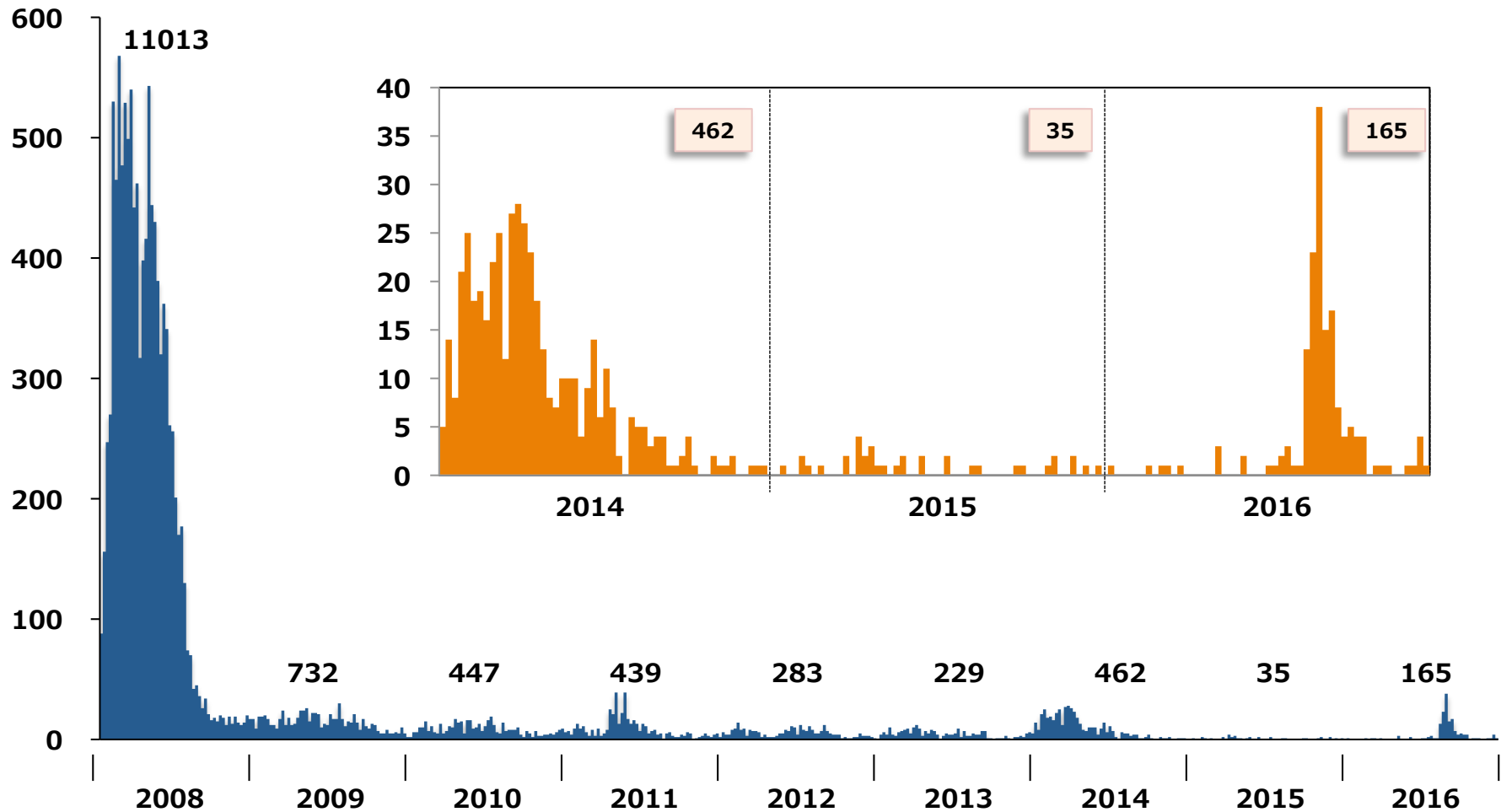
2015年度までに麻しんの排除を達成し、世界保健機関による麻しんの排除の認定を受け、かつ、その後も麻しんの排除の状態を維持することを目標とする

風しんに関する特定感染症予防指針

(厚生労働省告示第122号、平成26年3月)

早期に先天性風しん症候群の発生をなくすとともに、2020年度までに風しんの排除を達成することを目標とする

2016年麻しん発生状況について



麻しん患者の週別報告数 (2008 ~ 2016)

2016年の麻疹・風疹症例数と検査診断数

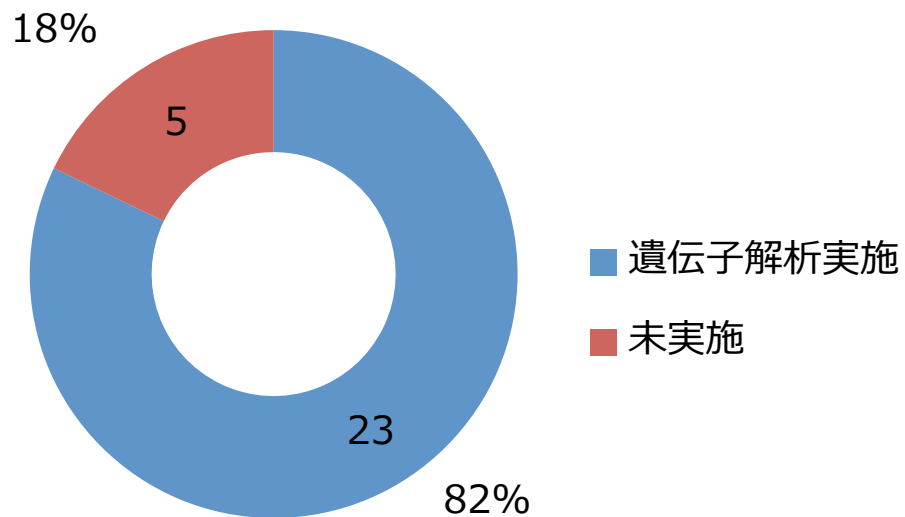
		麻疹	風疹
症例数（感染症発生動向）		165	125
検査診断数（感染症発生動向）		157 (95%)	98 (78%)
PCR検査診断数	病原微生物検出情報	139 (84%)	28 (22%)
	地衛研アンケート	156 (95%)	28 (22%)
塩基配列情報（ワクチン型、NTをのぞく）		124 (75%)	17 (14%)

(症例数に対する%)

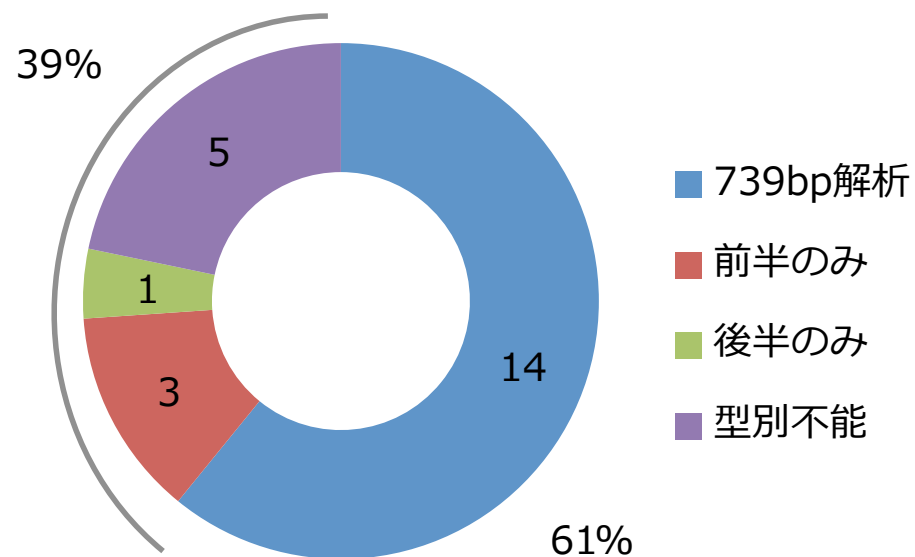
風疹ウイルス遺伝子解析の実施数

2016 年麻疹・風疹遺伝子検査実績調査より

遺伝子陽性で、遺伝子解析した症例割合 (n=28)



遺伝子解析の結果 (n=23)



739bpが解析できなかった場合は、NESIDにおける型別登録を「not typed」にして下さい

H28年度活動報告

1. <麻疹> 病原体検出マニュアルの改訂 ver.3.4

- ・リアルタイムRT-PCRの条件（スタンダードの希釈、サイクル数、クエンチャー）
- ・ウイルス遺伝子検査の進め方

2. <麻疹> 流行時の緊急対応として、参照RNAとリアルタイムRT-PCRのプライマープローブを配布（のべ24カ所）

3. <麻疹> リアルタイムRT-PCR技術研修

H28.12.6~12.8、10名

（AMED研究班「麻疹ならびに風疹排除およびその維持を科学的にサポートするための実験室診断および国内ネットワークに資する研究」研究代表者 森、研究分担者 木村博一）

H29年度活動予定

1. <風疹> 風疹ウイルス遺伝子シーケンス解析技術研修

(AMED研究班「麻疹ならびに風疹排除およびその維持を科学的にサポートするための実験室診断および国内ネットワークに資する研究」研究代表者 森、研究分担者 木村博一)

2. <風疹> 風疹ウイルス遺伝子検査の外部精度管理評価

(AMED研究班「麻疹ならびに風疹排除およびその維持を科学的にサポートするための実験室診断および国内ネットワークに資する研究」研究代表者 森、研究分担者 調恒明)

3. <麻疹・風疹> 感染研に報告された麻疹風疹ウイルスの遺伝子情報の取扱いについて意見募集

全国の流行状況をタイムリーに知るために感染研に集められた遺伝子配列情報を開示してほしいとの要望がある。その是非、条件等について意見募集した。